

Tyrosine Phosphatase Substrate Set

Plate Layout:

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
A																								
B																								
C																								
D																								
E																								
F																								
G																								
H																								
I																								
J																								
K																								
L																								
M																								
N																								
O																								
P																								

Sequence Information:

Position	Sequence	Origin
A1	HRQGHIYMEMNFT	A2B1_HUMAN (P63010) A2B1_MOUSE (Q9DBG3) A2B1_RAT (P62944)
A2	RRYGDRYINLRGP	ACE_HUMAN (P12821) ACE_RABIT (P12822)
A3	AYQNTIYLNLDWH	AMPN_HUMAN (P15144)
A4	SSDDVRYVNAFKF	VGR1_HUMAN (P17948) VGR1_MOUSE (P35969) VGR1_RAT (P53767)
A5	IIQAEFYLNPDQS	2DRA_HUMAN (P01903) 2DRA_MACMU (Q30631)
A6	EETREAYANIAEL	C2TA_HUMAN (P33076) C2TA_MOUSE (P79621)
A7	EDNVKSYMMDQRR	BIR1_HUMAN (Q13075)
A8	RHVKDLYLIPLSA	DAT1_HUMAN (Q9BTC0)
A9	TSADHLYVNVSEL	TNF6_HUMAN (P48023) TNF6_MACMU (Q9MYL6) TNF6_PIG (Q9BEA8)
A10	EVTFHLYLIPSDC	NAL1_HUMAN (Q9C000)
A11	QGEDQYYLRVTTV	CLUS_HUMAN (P10909)
A12	KLSGEAYGFVARI	VWF_HUMAN (P04275)

A13	DKDLRHYLNLRFQ	AIP1_HUMAN (Q86UL8) AIP1_MOUSE (Q9WVQ1) AIP1_RAT (O88382)
A14	ENPIDLYIYVIDM	CAD4_CHICK (P24503) CAD4_HUMAN (P55283) CAD4_MOUSE (P39038) CAD4_RAT (Q63149)
A15	TLPPCIYMAPMNQ	CAD8_HUMAN (P55286)
A16	KKLAELYGEIESE	CADI_HUMAN (Q13634)
A17	IFPQPNYVDMLIS	CDG7_HUMAN (Q9Y5G6)
A18	ARTGILYVNASLD	FAT2_HUMAN (Q9NYQ8)
A19	PNEDCLYLNIVYVP	NLG3_HUMAN (Q9NZ94) NLG3_MOUSE (Q8BYM5) NLG3_RAT (Q62889)
A20	AAAAETYANISWE	NRCA_HUMAN (Q92823)
A21	LEVGAPYLKVDGK	PCH1_HUMAN (Q08174)
A22	EENWSFYPNVAVRT	RELN_HUMAN (P78509) RELN_MOUSE (Q60841) RELN_RAT (P58751)
A23	LLLANAYIYVVQL	CAML_HUMAN (P32004) CAML_MOUSE (P11627) CAML_RAT (Q05695)
A24	WYRNCHYANLNGL	TENX_HUMAN (P22105) TENX_HUMAN (P22105)
B1	WKDAPYYINLVEM	CADN_HUMAN (Q9H251) CADN_MOUSE (Q99PF4) CADN_RAT (P58365)
B2	SGRETIYPNASLL	CEA1_HUMAN (P13688) CEA6_HUMAN (P40199)
B3	SGREIYYPNASLL	CEA5_HUMAN (P06731)
B4	SNRETIYPNASLL	CEA8_HUMAN (P31997)
B5	VESITVYEEILRQ	CLS3_HUMAN (Q9BQT9)
B6	QSEDCLYLNIVYVP	NLG1_HUMAN (Q8N2Q7) NLG1_MOUSE (Q99K10) NLG1_RAT (Q62765)
B7	ISALLQYINLSLT	ANC4_HUMAN (Q9UJX5) ANC4_MOUSE (Q91W96)
B8	IYTLIHYINQRPS	ATM_HUMAN (Q13315)
B9	TLMGHEYMEMKNT	CC23_HUMAN (Q9UJX2) CC23_MOUSE (Q8BGZ4)
B10	AATVGHYTAVQNS	CD5R_BOVIN (Q28199) CD5R_HUMAN (Q15078) CD5R_MOUSE (P61809) CD5R_RAT (P61810)
B11	KIGEGTYGVVYKG	CC21_XENLA (P35567) CC22_ORYSA (P29619) CC22_XENLA (P24033) CDC2_BOVIN (P48734) CDC2_CAEEL (P34556) CDC2_CARAU (P51958) CDC2_CHICK (P13863) CDC2_DROME (P23572) CDC2_HUMAN (P06493) CDC2_MOUSE (P11440) CDC2_ORYCU (Q9DGA5)

		CDC2_ORYJA (Q9DGA2) CDC2_ORYLA (Q9DGD3) CDC2_ORYLU (Q9DG98) CDC2_RANDY (Q9W739) CDC2_RAT (P39951)
B12	KIGEGTYGVVYKA	CC21_MEDSA (P24923) CC22_MEDSA (Q05006) CC2A_ANTMA (Q38772) CC2A_ARATH (P24100) CC2H_PLAF7 (P61075) CC2H_PLAFK (Q07785) CDC2_AJECA (P54119) CDC2_CHERU (P93101) CDC2_EMENI (Q00646) CDC2_MAIZE (P23111) CDC2_SCHPO (P04551) CDC2_VIGAC (Q41639) CDC2_VIGUN (P52389) CDK2_CARAU (P43450) CDK2_CRIGR (O55076) CDK2_HUMAN (P24941) CDK2_MESAU (P48963) CDK2_MOUSE (P97377) CDK2_RAT (Q63699) CDK2_XENLA (P23437) CDK3_HUMAN (Q00526) CRK1_LEIME (Q06309)
B13	RIIEGTYGVVYRA	CDL1_HUMAN (P21127) CDL1_MOUSE (P24788) CDL1_RAT (P46892) CDL2_HUMAN (Q9UQ88) KP58_DROME (Q9VPC0)
B14	ETTKNVYEEIAAP	CENE_HUMAN (Q02224)
B15	MLLASKYEEIYPP	CGA1_HUMAN (P78396)
B16	NAYRQLYLNPKGD	CND1_HUMAN (Q15021) CND1_MOUSE (Q8K2Z4)
B17	RAETEHYEEIEDY	CND2_HUMAN (Q15003)
B18	MGYWPTYVPMEVH	CU4B_HUMAN (Q13620)
B19	VRMLDDYEEISAG	CUL7_HUMAN (Q14999) PARC_HUMAN (Q8IWT3)
B20	KLNTEEYLRVIGK	KNTC_HUMAN (P50748)
B21	DSKFEDYLNAESR	SEP7_HUMAN (Q16181) SEP7_MOUSE (O55131) SEP7_RAT (Q9WVC0)
B22	LIEQEEYLNQVK	SMC4_HUMAN (Q9NTJ3)
B23	SSKLQQYEEIIQS	ZW10_HUMAN (O43264)
B24	LNTPNLYLRVNVA	ADDB_HUMAN (P35612) ADDB_MOUSE (Q9QYB8) ADDB_RAT (Q05764)
C1	LSEDCLYLNWIP	CHLE_BOVIN (P32749) CHLE_CANFA (P32750) CHLE_FELCA (O62760) CHLE_HORSE (P81908) CHLE_HUMAN (P06276) CHLE_MACMU (P32751)

		CHLE_PIG (P32752) CHLE_RABIT (P21927) CHLE_SHEEP (P32753)
C2	EDRFIQYANPAFE	CN8A_HUMAN (O60658)
C3	MDLLRQYLRVETQ	COA1_BOVIN (Q9TTS3) COA1_HUMAN (Q13085) COA1_RAT (P11497) COA1_SHEEP (Q28559)
C4	GESSLAYEEIVTI	COA2_HUMAN (O00763)
C5	IDLLRRYLRVETI	COA2_HUMAN (O00763)
C6	GPNNNNYANVELI	COA1_BOVIN (Q9TTS3) COA1_SHEEP (Q28559) COA2_HUMAN (O00763) COAC_CHICK (P11029) COAC_DICDI (P34121) COAC_HUMAN (Q14019) COAC_MOUSE (Q9CQI6)
C7	DIHVGDIIPKNT	CP2B_HUMAN (O15528)
C8	RLSGELYGRATAW	G3S1_HUMAN (Q99999)
C9	RIYIHRVENVSIL	CYA8_HUMAN (P40145) CYA8_MOUSE (P97490) CYA8_RAT (P40146)
C10	LKMKEKYLNVSAC	CYG2_HUMAN (O75343)
C11	PPERIIYANPCKQ	DCOR_BOVIN (P27117) DCOR_CHICK (P27118) DCOR_HUMAN (P11926) DCOR_MUSPA (P27119) DCOR_RAT (P09057)
C12	IAANCIYLNIPNK	DDH1_HUMAN (O94760)
C13	QRLDCIYLNAGIM	DHB7_HUMAN (P56937)
C14	MVIPDLYLNAGGV	DHE3_BOVIN (P00366) DHE3_CHICK (P00368) DHE3_HUMAN (P00367) DHE3_MOUSE (P26443) DHE3_RAT (P10860)
C15	LVIPDLYLNAGGV	DHE4_HUMAN (P49448)
C16	DLRTAAVNAIEK	DHE3_BOVIN (P00366) DHE3_CHICK (P00368) DHE3_HUMAN (P00367) DHE3_MOUSE (P26443) DHE3_RAT (P10860) DHE4_HUMAN (P49448)
C17	KHATGNYIIIMDA	DPM1_HUMAN (O60762)
C18	TFPPISYLNAISW	ER19_HUMAN (P53602)
C19	LSEDCLYLNITYTP	EST1_HUMAN (P23141)
C20	AAFQFSYTAVFGA	FAC2_HUMAN (Q9Y256) FAC2_MOUSE (P57791)
C21	NFHSFLYQPDWRF	FDFT_HUMAN (P37268)
C22	EAALNEYLRVKTV	FTDH_HUMAN (O75891) FTDH_HUMAN (O75891)
C23	GECSIDYVEMAVN	FTDH_HUMAN (O75891)
C24	AVCFFSYLRVSRD	FUT3_HUMAN (P21217) FUT3_PANTR (O19058) FUT3_PONPY (Q8HYJ5) FUT5_HUMAN (Q11128)

		FUT5_HYLLA (Q8HYJ3) FUT5_PANTR (P56433) FUT5_PONPY (Q8HYJ4) FUT6_PANTR (P56434) FUT6_PONPY (Q9GKU6)
D1	AVCFFSYLRVSQD	FUT6_HUMAN (P51993)
D2	GDVAACYANPSLA	GALE_HUMAN (Q14376) GALE_MOUSE (Q8R059) GALE_RAT (P18645)
D3	EPPPPGYENVSDI	FOH1_HUMAN (Q04609)
D4	LKQIPRYLIPCYF	GDE_HUMAN (P35573) GDE_RABIT (P35574)
D5	KVLGLKYEEIDCL	GLCE_HUMAN (O94923) GLCE_MOUSE (Q9EPS3)
D6	ASTSELYGKVQEI	GMD1_CAEEL (Q18801) GMD2_CAEEL (O45583) GMDS_HUMAN (O60547)
D7	AKAWELYGSPNAL	GSHB_HUMAN (P48637)
D8	FLASPEYVNLPIN	GTP_HUMAN (P09211)
D9	FGLPPRYQPDVKF	HPCL_HUMAN (Q9UJ83)
D10	GSDANTYANLCQL	HRA1_HUMAN (Q92743)
D11	YENILKYVNLDAW	HSS1_HUMAN (P52848) HSS1_RAT (Q02353)
D12	RTSLDLYANVIHC	IDHG_HUMAN (P51553) IDHG_MACFA (P41564) IDHG_MOUSE (P70404) IDHG_PIG (P41566) IDHG_RAT (P41565)
D13	MNPLSPYLNVDPR	IM23_HUMAN (O14925) IM23_MOUSE (Q9WTQ8) IM23_RAT (O35093)
D14	KYIKDKYPNLQVI	IMD2_HUMAN (P12268)
D15	VTTDSPYIIPQHR	IOD3_HUMAN (P55073)
D16	CWCSYKYLNAGAG	KYNU_HUMAN (Q16719)
D17	LGWYPPYANPPPE	LOL1_HUMAN (Q08397)
D18	NPPPEAYGPPRAL	LOL1_HUMAN (Q08397)
D19	FCGLLFYINLADH	M1B1_HUMAN (Q9UKM7)
D20	LNSSRHYLNIRYT	MGA_HUMAN (O43451)
D21	HGGLRGYLRVFFR	N7BM_HUMAN (Q9UI09)
D22	DPLTETYGIPFYL	NAT5_HUMAN (P61599) NAT5_MOUSE (P61600)
D23	LYEANDYEEIVFL	NER2_HUMAN (Q9Y3R4)
D24	RADLGAYLNPRPP	NER2_HUMAN (Q9Y3R4)
E1	LGTVMRYEEIELR	NMA2_HUMAN (Q9BZQ4) NMA2_MOUSE (Q8BNJ3)
E2	LTPSFYEQPDPWN	NOS1_HUMAN (P29475) NOS1_MOUSE (Q9Z0J4) NOS1_RAT (P29476)
E3	LSPAFRYQDPWK	NOS3_BOVIN (P29473) NOS3_HUMAN (P29474) NOS3_MOUSE (P70313) NOS3_PIG (Q28969)
E4	LGHPKVYINLDKE	NUMM_HUMAN (O75380) NUMM_HUMAN (O75380)

		NUMM_RAT (P52504)
E5	RWLAVDYENVRPD	OAT_HUMAN (P04181)
E6	STSLVGYLVRVQGV	OCTC_BOVIN (O19094) OCTC_HUMAN (Q9UKG9) OCTC_MOUSE (Q9DC50)
E7	GIICTFYTAVGGM	SL55_HUMAN (Q92911)
E8	NEDYAGYIIPPAP	SNX6_HUMAN (Q9UNH7)
E9	TEAGKTYEEIASL	SNX9_HUMAN (Q9Y5X1) SNX9_MOUSE (Q91VH2)
E10	QLSDPDYINQYVI	SNXD_HUMAN (Q9Y5W8)
E11	DCAHFHYENVDFG	SNXQ_HUMAN (O14559)
E12	LEHRKDYINAYSH	STXH_HUMAN (Q9P2W9)
E13	VTTEAIYEEIDAH	T1L1_HUMAN (O75674)
E14	IGVRESYVNLCSN	CUL5_HUMAN (Q93034) CUL5_MOUSE (Q9D5V5) CUL5_RABIT (Q29425) CUL5_RAT (Q9JJ31)
E15	SVTSSAYPNPSIL	IF_HUMAN (P27352)
E16	YQYMETYMGPALF	IMB1_HUMAN (Q14974) IMB1_MOUSE (P70168) IMB1_RAT (P52296)
E17	LEGNVGYLRVDSV	IRBP_HUMAN (P10745)
E18	WIEDTLYANVDFD	ABCR_HUMAN (P78363)
E19	AVAFQGYLRQTRC	I10R_HUMAN (Q13651)
E20	DAEKPFYVNVFEH	BCR_HUMAN (P11274)
E21	TAENAEYLRVAPQ	EGFR_HUMAN (P00533)
E22	TAENPEYLGLDVP	ERB2_HUMAN (P04626) ERB2_MESAU (Q60553) ERB2_RAT (P06494)
E23	VAENPEYLSEFSL	ERB4_HUMAN (Q15303) ERB4_RAT (Q62956)
E24	GAFGTVYKGIWIP	ERB2_HUMAN (P04626) ERB2_MESAU (Q60553) ERB2_RAT (P06494)
F1	GAFGTVYKGIWVP	ERB4_HUMAN (Q15303) ERB4_RAT (Q62956)
F2	GAFGTVYKGLWIP	EGFR_HUMAN (P00533) EGFR_MOUSE (Q01279) ERBB_ALV (P00534) ERBB_AVIEU (P11273)
F3	IRNTNEYTEGPTV	SPY2_CHICK (Q9PTL2) SPY2_HUMAN (O43597) SPY2_MOUSE (Q9QXV8)
F4	ITSPFKYQSLLTk	B2AR_CANFA (P54833) B2AR_FELCA (Q9TST5) B2AR_HUMAN (P07550) B2AR_MACMU (Q28509) B2AR_MESAU (P04274) B2AR_MOUSE (P18762) B2AR_RAT (P10608)
F5	KGFGGQYGIQKDR	HS1_HUMAN (P14317) HS1_MOUSE (P49710)
F6	LNTTATYAEPYRP	PKP4_HUMAN (Q99569)
F7	PGPQDIYDVPPVR	BCA1_HUMAN (P56945) BCA1_MOUSE (Q61140)

F8	PIPSVPYAPFAAI	RGE1_HUMAN (Q13905)
F9	PSRDPHYQDPHST	EGFR_HUMAN (P00533)
F10	QIPEGDYLSYREF	LAP2_HUMAN (Q96RT1)
F11	QPEQDEYDIPRHL	BCA1_HUMAN (P56945)
F12	QQDGKDYIVLPIS	VGR2_HUMAN (P35968)
F13	RNPLQGYQVRRP	LHN1_BOVIN (O97831)
		LHN1_HUMAN (O94910)
		LHN1_MOUSE (Q80TR1)
		LHN1_MOUSE (Q80TR1)
		LHN1_RAT (O88917)
		LHN1_RAT (O88917)
F14	PASEQGYEEMRAF	ERB3_HUMAN (P21860)
		ERB3_HUMAN (P21860)
F15	SHVDNEYSQPPRN	CD5_HUMAN (P06127)
		CD5_HUMAN (P06127)
		CD5_MOUSE (P13379)
		CD5_MOUSE (P13379)
		CD5_RAT (P51882)
		CD5_RAT (P51882)
F16	SVDSSLYNLPRSY	GABI_HUMAN (Q13480)
		GABI_MESAU (Q99PF6)
F17	EEGAPDYENLQEL	LAT_HUMAN (O43561)
F18	EPPDHQYYNDFPG	SHC1_HUMAN (P29353)
		SHC1_MOUSE (P98083)
F19	GCPEKVYELMRAC	ABL1_HUMAN (P00519)
		ABL1_MOUSE (P00520)
		ABL_FSVHY (P10447)
		ABL_MLVAB (P00521)
F20	GGWMEDYDYVHLQ	BCA1_HUMAN (P56945)
		BCA1_MOUSE (Q61140)
		BCA1_RAT (Q63767)
F21	HAPAEMYDIMKTC	KIT_BOVIN (P43481)
		KIT_CANFA (O97799)
		KIT_CAPHI (Q28317)
		KIT_FELCA (Q28889)
		KIT_FSVHZ (P04048)
		KIT_FSVHZ (P04048)
		KIT_HUMAN (P10721)
F22	ILQGLKYTFSDW	KPCD_HUMAN (Q05655)
F23	LEKIQDYEKMPES	IL1R_HUMAN (P14778)
		IL1R_RAT (Q02955)
F24	LGSQEGYVPKNFI	GRP2_HUMAN (O75791)
		GRP2_MOUSE (O89100)
G1	LLEQQKYTVTVDY	IKKB_HUMAN (O14920)
		IKKB_MOUSE (O88351)
		IKKB_RAT (Q9QY78)
G2	MDEELHYASLNFH	CD33_HUMAN (P20138)
		CD33_HUMAN (P20138)
G3	MPSEEGYQDYEPE	SYUA_ATEGE (P61138)
		SYUA_ERYPA (P61139)
		SYUA_GORGO (P61140)
		SYUA_HUMAN (P37840)
		SYUA_LAGLA (P61141)
		SYUA_MACFA (P61142)
		SYUA_MACMU (P61143)

		SYUA_MOUSE (O55042) SYUA_PANPA (P61144) SYUA_PANTR (P61145) SYUA_PONPA (P61146) SYUA_RAT (P37377) SYUA_SAGLB (P61147)
G4	PPDHQYYNDFPGK	SHC1_HUMAN (P29353) SHC1_MOUSE (P98083)
G5	PPFKSAYSSFVNL	FYV1_HUMAN (Q9Y2I7) FYV1_MOUSE (Q9Z1T6)
G6	QFEYAAYIIHAYK	TLR3_HUMAN (O15455)
G7	RKEVSKYSIDIQRS	PGDS_HUMAN (P16234) PGDS_MOUSE (P26618) PGDS_RAT (P20786)
G8	SQEELHYATLNFP	SILA_HUMAN (Q96LC7)
G9	SYEGNSYTFIDPT	KFMS_FELCA (P13369) KFMS_FSVMD (P00545) KFMS_HUMAN (P07333)
G10	TNSITVYASVTLF	SLAM_HUMAN (Q13291)
G11	TRICKIYDSPCLP	R511_XENLA (Q91918) R512_XENLA (Q91917) RA51_CHICK (P37383) RA51_DROME (Q27297) RA51_HUMAN (Q06609) RA51_MOUSE (Q08297) RA51_RABIT (O77507)
G12	TVVIALYDYQTND	ITK_HUMAN (Q08881)
G13	WIRYHRYHGRSAA	PIM1_BOVIN (Q9N0P9) PIM1_FELCA (Q95LJ0) PIM1_HUMAN (P11309) PIM1_MOUSE (P06803) PIM1_RAT (P26794)
G14	YCPDPLYEVMLKC	MET_HUMAN (P08581)
G15	YQKLYTYIQSRFY	DYR3_HUMAN (O43781)
G16	YSTKYFYKQNGRI	ERB4_HUMAN (Q15303) ERB4_RAT (Q62956)
G17	AEPYNLYSSLKEL	P55G_HUMAN (Q92569) P55G_MOUSE (Q64143) P85A_BOVIN (P23727) P85A_BOVIN (P23727) P85A_HUMAN (P27986) P85A_HUMAN (P27986) P85A_MOUSE (P26450) P85A_MOUSE (P26450) P85A_RAT (Q63787) P85A_RAT (Q63787)
G18	ATDDFYDDPCFD	MYOD_HUMAN (P15172)
G19	AFDNLYYWDQDPP	ERB2_HUMAN (P04626)
G20	AFDNPDYWHSRLF	ERB3_HUMAN (P21860) ERB3_RAT (Q62799)
G21	AFDNPDYWNHSLP	ERB4_HUMAN (Q15303) ERB4_RAT (Q62956)
G22	EDCGGGYTPDCSS	BCR_HUMAN (P11274)
G23	TFGAKPYDGIPAR	ERB2_HUMAN (P04626) ERB2_MESAU (Q60553)

		ERB2_MOUSE (P70424) ERB2_RAT (P06494)
G24	GLARDIYKDPDYV	VGR2_COTJA (P52583) VGR2_HUMAN (P35968) VGR2_MOUSE (P35918) VGR2_RAT (O08775) VGR3_HUMAN (P35916) VGR3_MOUSE (P35917)
H1	GLARDMYDKEYYS	MET_HUMAN (P08581) MET_MOUSE (P16056) MET_RAT (P97523)
H2	PEPAHAYAQPQTT	CRKL_HUMAN (P46109) CRKL_MOUSE (P47941)
H3	PTSAPVYQQPQQQ	LAS1_HUMAN (Q14847) LAS1_MOUSE (Q61792)
H4	RAKIQDYHILTRK	JAK2_HUMAN (O60674) JAK2_MOUSE (Q62120) JAK2_RAT (Q62689)
H5	RVDTPHYPRWITK	KPCD_HUMAN (Q05655) KPCD_MOUSE (P28867) KPCD_RAT (P09215)
H6	SEDIKSYYTVRQL	PTN1_CHICK (O13016) PTN1_HUMAN (P18031)
H7	YSKNTDYTELHQQ	GOA5_HUMAN (Q8TBA6)
H8	PKAEDEYVNEPLY	ERB4_HUMAN (Q15303) ERB4_RAT (Q62956)
H9	APTSFGYDKPHVL	INGR_HUMAN (P15260) INGR_HUMAN (P15260)
H10	DLVSCAYQVARGM	CEK2_CHICK (P18460) FGR1_CHICK (P21804) FGR1_HUMAN (P11362) FGR1_MOUSE (P16092) FGR1_RAT (Q04589) FGR1_XENLA (P22182) FGR3_HUMAN (P22607) FGR3_MOUSE (Q61851)
H11	EGWMVHYTSKDTL	KPCM_HUMAN (Q15139) KPCM_MOUSE (Q62101)
H12	GAMAATYSALNRN	K6A3_HUMAN (P51812) K6A3_HUMAN (P51812) K6A3_MOUSE (P18654) K6A3_MOUSE (P18654)
H13	KVSSTHYLLPER	ACK1_HUMAN (Q07912) ACK1_MOUSE (O54967) MIG6_HUMAN (Q9UJM3) MIG6_MOUSE (Q99JZ7) MIG6_RAT (P05432)
H14	LAEGSAYEEVPTS	PIG1_BOVIN (P08487) PIG1_HUMAN (P19174) PIG1_RAT (P10686)
H15	LDSGGFYITSRTQ	SRC1_XENLA (P13115) SRC2_XENLA (P13116) SRC_AVIS2 (P15054) SRC_AVISR (P00525) SRC_AVISS (P14084)

		SRC_AVIST (P14085) SRC_CHICK (P00523) SRC_HUMAN (P12931) SRC_MOUSE (P05480) SRC_RAT (Q9WUD9) SRC_RSVPA (P31693) SRC_RSVSR (P00524)
H16	LQDEANYHLYGSR	RIK1_HUMAN (Q13546)
H17	DKPKQEYLNPEVEE	ERB4_HUMAN (Q15303) ERB4_RAT (Q62956)
H18	RLQNFYSYDQREMI	RBMC_HUMAN (Q9NTZ6)
H19	RNKPTVYGVSPNY	ABL1_HUMAN (P00519) ABL_FSVHY (P10447)
H20	SHNSALYSQVQKS	DOK1_HUMAN (Q99704) DOK1_HUMAN (Q99704)
H21	STGSVDYLALDFQ	GABJ_HUMAN (Q9UQC2) GABJ_MOUSE (Q9Z1S8) GABJ_RAT (Q9EQH1)
H22	VSSTHYLLPERP	ACK1_HUMAN (Q07912) ACK1_MOUSE (O54967) MIG6_HUMAN (Q9UJM3) MIG6_MOUSE (Q99JZ7) MIG6_RAT (P05432)
H23	ASQLGVYRAFVDN	BCR_HUMAN (P11274)
H24	AYGERPYWNMTNR	EPA8_HUMAN (P29322)
I1	CFSPNRYWLCAAT	GBLP_ARATH (O24456) GBLP_BRARE (O42248) GBLP_CHLRE (P25387) GBLP_HUMAN (P25388) GBLP_HYDAT (Q25189) GBLP_MEDSA (O24076) GBLP_NICPL (P93340) GBLP_ORENI (O42249) GBLP_ORYSA (P49027) GBLP_TOBAC (P49026)
I2	DMGDEVYDDVDTS	FYB_HUMAN (O15117)
I3	SLDNPDYQQDFFP	EGFR_HUMAN (P00533) EGFR_HUMAN (P00533) EGFR_MOUSE (Q01279) EGFR_MOUSE (Q01279)
I4	ALDNPEYHNASNG	ERB4_HUMAN (Q15303)
I5	DSPPALYAEPLDS	DOK1_HUMAN (Q99704)
I6	PLDSTFYRSLLED	ERB2_HUMAN (P04626) ERB2_MESAU (Q60553)
I7	EELGYEYMDVGS	ERB3_HUMAN (P21860) ERB3_RAT (Q62799)
I8	ESEELYSSCRQL	PIG2_HUMAN (P16885) PIG2_RAT (P24135)
I9	FITEEDYQALRTS	CLH1_HUMAN (Q00610) CLH_BOVIN (P49951) CLH_RAT (P11442)
I10	LYAGDYRVQGRA	DDR1_HUMAN (Q08345) DDR1_MOUSE (Q03146) DDR1_PANTR (Q7YR43) DDR1_RAT (Q63474)

I11	LYEKFTYAGIDCS	TIE2_BOVIN (Q06807) TIE2_BRARE (O73791) TIE2_HUMAN (Q02763) TIE2_MOUSE (Q02858)
I12	MEDSTYYKASKGK	FAK1_CHICK (Q00944) FAK1_HUMAN (Q05397) FAK1_MOUSE (P34152) FAK1_RAT (O35346) FAK1_XENLA (Q91738)
I13	MEGQHNYLCAGRN	PRGR_CANFA (Q9GLW0) PRGR_CHICK (P07812) PRGR_HUMAN (P06401) PRGR_MOUSE (Q00175) PRGR_RABIT (P06186) PRGR_RAT (Q63449) PRGR_SHEEP (Q28590)
I14	MLNSKGYTKSIDI	ERKA_DROME (P40417) MK01_BOVIN (P46196) MK01_HUMAN (P28482) MK01_MOUSE (P27703) MK01_XENLA (P26696) MK03_HUMAN (P27361) MK03_MOUSE (Q63844) MK03_RAT (P21708)
I15	MPSTRDYEIQRER	FAK1_CHICK (Q00944) FAK1_HUMAN (Q05397) FAK1_RAT (O35346)
I16	ASSQDCYDIPRAF	GABI_HUMAN (Q13480)
I17	MTCAELYEKL PQG	TIE1_BRARE (O73792) TIE1_HUMAN (P35590) TIE1_MOUSE (Q06806) TIE2_BOVIN (Q06807) TIE2_HUMAN (Q02763) TIE2_MOUSE (Q02858)
I18	MVLKHPYPRKVEE	DAPP_HUMAN (Q9UN19)
I19	NANYTEYVATRWY	STK9_HUMAN (O76039)
I20	NCTHDLYMIMREC	CEK2_CHICK (P18460) FGR3_HUMAN (P22607)
I21	ASVMQEYTSQGGV	PSA2_CARAU (O73672) PSA2_HUMAN (P25787) PSA2_MOUSE (P49722) PSA2_RAT (P17220) PSA2_XENLA (P24495)
I22	NLEQEEYEDPDIP	B3AT_HUMAN (P02730)
I23	NLYAGDYRVQGR	DDR1_HUMAN (Q08345) DDR1_MOUSE (Q03146) DDR1_PANTR (Q7YR43) DDR1_RAT (Q63474)
I24	NLYSGDYRIQGR	DDR2_HUMAN (Q16832) DDR2_MOUSE (Q62371)
J1	NQGVRTYVDPFTY	EPA4_CHICK (Q07496) EPA4_HUMAN (P54764) EPA4_MOUSE (Q03137)
J2	NSSDPTYTSSLGG	EPB3_BRARE (O13147) EPB4_HUMAN (P54760)

		EPB4_MOUSE (P54761)
J3	NVMMGPYRQDLLA	VINC_CHICK (P12003) VINC_HUMAN (P18206) VINC_MOUSE (Q64727) VINC_PIG (P26234)
J4	PAFDNLYYWDQDP	ERB2_HUMAN (P04626) ERB2_MESAU (Q60553)
J5	PDVLEYYKNDHAK	GABI_HUMAN (Q13480) GABI_MESAU (Q99PF6) GABI_MOUSE (Q9QYY0)
J6	PEDKAKYDAIFDS	EP15_HUMAN (P42566)
J7	PGSAAPYLKTKFI	STA3_BOVIN (P61635) STA3_HUMAN (P40763) STA3_MOUSE (P42227) STA3_RAT (P52631)
J8	PIQEANYVPMTPG	GABI_HUMAN (Q13480)
J9	PKSPGEYINIDFG	IRS2_HUMAN (Q9Y4H2)
J10	PKSPGEYVNIEFG	IRS1_HUMAN (P35568) IRS1_MOUSE (P35569) IRS1_RAT (P35570)
J11	PLTTGVYVKMPPT	CTL4_HUMAN (P16410) CTL4_MOUSE (P09793) CTL4_PIG (Q9MYX7) CTL4_RABIT (P42072)
J12	PQDKEYYKVKEPG	JAK2_HUMAN (Q06074) JAK2_MOUSE (Q62120) JAK2_RAT (Q62689)
J13	PSDKFIYATVKQS	NMZ1_HUMAN (Q05586) NMZ1_MOUSE (P35438) NMZ1_RAT (P35439)
J14	PTGNHTYQEIAVP	PAXI_CHICK (P49024) PAXI_HUMAN (P49023)
J15	QDSNPLYKSAITT	ITB7_HUMAN (P26010)
J16	QEDGGVYSSSGLK	FER_HUMAN (P16591) FLK_RAT (P09760)
J17	QGDLKLYSLEGYG	PDK1_HUMAN (Q15118) PDK1_RAT (Q63065)
J18	QLGQRIYQYIQSR	DYRA_HUMAN (Q13627) DYRA_MOUSE (Q61214) DYRA_RAT (Q63470) DYRB_HUMAN (Q9Y463) DYRB_MOUSE (Q9Z188)
J19	QQDGKDYIPINAI	VGR1_HUMAN (P17948)
J20	QRDSSYYWEIEAS	MIL_AVIMH (P00531) RAF1_CHICK (P05625) RAF1_HUMAN (P04049) RAF1_MOUSE (Q99N57) RAF1_RAT (P11345)
J21	QYFMTEYVATRWY	MK07_HUMAN (Q13164) MK07_MOUSE (Q9WVS8)
J22	RKDRMSYHVRSHD	MAZ_HUMAN (P56270) MAZ_MESAU (P56670) MAZ_MOUSE (P56671) Z278_HUMAN (Q9HBE1)
J23	RKFGDDYQVVVTS	IRK3_HUMAN (P48549)

		IRK3_MOUSE (P35562)
J24	RKGSGLDYMSPK	IRS1_HUMAN (P35568)
K1	RQPFVKYATLISN	LEPR_HUMAN (P48357) LEPR_MACMU (Q9MYL0)
K2	RSPLSDYMNLDLFS	IRS2_HUMAN (Q9Y4H2)
K3	RSSLKAYGNGYSS	B2AR_HUMAN (P07550)
K4	RYQPGKYMPNQS	PLS4_HUMAN (Q9NRQ2)
K5	SCRSDDYMPMSPA	IRS2_HUMAN (Q9Y4H2)
K6	SDTDSSYCIPTAG	GABI_HUMAN (Q13480)
K7	SEDL SAYASISFQ	IRS1_HUMAN (P35568)
K8	SEEIRFYQLGEEA	CIK3_HUMAN (P22001) CIK3_MOUSE (P16390) CIK3_RAT (P15384)
K9	SENFDDYMKALGV	MYP2_HUMAN (P02689) MYP2_RABIT (P02691)
K10	SENFDDYMKVGV	FABA_BOVIN (P48035) FABA_HUMAN (P15090) FABA_MOUSE (P04117) FABA_PIG (O97788) FABA_RAT (P70623) FABA_SPETR (Q99P60)
K11	SFLDSGYRILGAV	VINC_CHICK (P12003) VINC_HUMAN (P18206) VINC_MOUSE (Q64727) VINC_PIG (P26234)
K12	CSPPPDYNSVVLV	VGR1_HUMAN (P17948) VGR1_MOUSE (P35969) VGR1_RAT (P53767)
K13	SIKMQQYTEHFMA	EPA2_HUMAN (P29317)
K14	SIRMGRYRDHFAA	EPA8_HUMAN (P29322) EPA8_MOUSE (O09127) EPA8_RAT (P29321)
K15	SIRMKRYILHFHS	EPA1_HUMAN (P21709) EPA1_HUMAN (P21709)
K16	SKNFDDYMKSLGV	FABH_BOVIN (P10790) FABH_HUMAN (P05413) FABH_MOUSE (P11404) FABH_RAT (P07483) FABH_SPETR (Q99P61)
K17	CYLLIRYCSGKSK	CXB2_HUMAN (P29033) CXB2_MACMU (Q8MIT8)
K18	SPGMKIYIDPFTY	EPB1_CHICK (Q07494) EPB1_HUMAN (P54762) EPB1_RAT (P09759) EPBA_XENLA (Q91571) EPBB_XENLA (Q91736)
K19	SQESDYSQPSTS	MDM2_CANFA (P56950) MDM2_HORSE (P56951) MDM2_HUMAN (Q00987) MDM2_MESAU (Q60524)
K20	SRGEEVYVKKTMG	TIE1_BOVIN (Q06805) TIE1_BRARE (O73792) TIE1_HUMAN (P35590) TIE1_MOUSE (Q06806)
K21	DCLDGLYALMSRC	UFO_HUMAN (P30530)

K22	TGENPIYKSAVTT	ITB1_BOVIN (P53712) ITB1_CHICK (P07228) ITB1_FELCA (P53713) ITB1_HUMAN (P05556) ITB1_MOUSE (P09055) ITB1_RAT (P49134) ITB1_XENLA (P12606)
K23	TLQHPDYLQEYST	ERB4_HUMAN (Q15303) ERB4_RAT (Q62956)
K24	DDFDGTYETQGGK	EPA1_HUMAN (P21709) EPA1_MOUSE (Q60750)
L1	TPGMKIYIDPFTY	EPB2_CHICK (P28693) EPB2_COTJA (Q90344) EPB2_HUMAN (P29323) EPB2_MOUSE (P54763)
L2	TSAEPQYQPGDQT	FGR_HUMAN (P09769)
L3	TSMFDDYQGDSST	VGR1_HUMAN (P17948)
L4	DDPDAAAYTTGGK	EPA8_HUMAN (P29322)
L5	DDPEAAAYTTRGGK	EP4A_XENLA (Q91845) EP4B_XENLA (Q91694) EPA3_BRARE (O13146) EPA3_CHICK (P29318) EPA3_HUMAN (P29320) EPA3_MOUSE (P29319) EPA3_RAT (O08680) EPA4_CHICK (Q07496) EPA4_HUMAN (P54764) EPA4_MOUSE (Q03137) EPA5_CHICK (P54755) EPA5_HUMAN (P54756) EPA5_MOUSE (Q60629) EPA5_RAT (P54757)
L6	IYSGDYRQGRIA	MERK_HUMAN (Q12866) MERK_MOUSE (Q60805) MERK_RAT (P57097) RYK_AVIR3 (P33497)
L7	IYSTDYRVGGR	TRKA_CHICK (Q91009) TRKA_HUMAN (P04629) TRKA_RAT (P35739)
L8	KAYNGYSSNGNT	B2AR_HUMAN (P07550)
L9	KDTETVYSEVRKA	PEC1_HUMAN (P16284) PEC1_HUMAN (P16284)
L10	KIGEGTYGTVFKA	CDK5_BOVIN (Q02399) CDK5_HUMAN (Q00535) CDK5_MOUSE (P49615) CDK5_RAT (Q03114) CDK5_XENLA (P51166)
L11	KKSLTIYAQVQKP	SLAM_HUMAN (Q13291)
L12	KKTFASYMPQFQT	LEPR_HUMAN (P48357) LEPR_MACMU (Q9MYL0)
L13	KKVVALYDYMPMN	BTK_HUMAN (Q06187) BTK_MOUSE (P35991)
L14	KLWLKPYVDLQAY	EPA1_HUMAN (P21709) EPA1_MOUSE (Q60750)
L15	KNVVPVYDLLLEM	ESR2_BOVIN (Q9XSB5)

		ESR2_CALJA (Q95171) ESR2_CHICK (Q9PTU5) ESR2_COTJA (O93511) ESR2_HUMAN (Q92731) ESR2_MACMU (Q9TTE5) ESR2_MOUSE (O08537) ESR2_PIG (Q9XSW2) ESR2_RAT (Q62986) ESR2_SHEEP (Q9TU15) ESR2_STUVU (Q9PVE2) ESR2_STUVU (Q9PVE2)
L16	KPDLERYEAQAHG	AT7B_HUMAN (P35670) AT7B_MOUSE (Q64446) AT7B_RAT (Q64535)
L17	KVDEVLYEDSSTA	FTHC_HUMAN (P49914)
L18	DRKGGSYSQAASS	1A01_GORGO (P30375) 1A01_GORGO (P30375) 1A02_GORGO (P30376) 1A02_GORGO (P30376) 1A02_HUMAN (P01892) 1A02_HUMAN (P01892) 1A03_GORGO (P30377) 1A03_GORGO (P30377) 1A04_GORGO (P30378) 1A04_GORGO (P30378) 1A04_PANTR (P13749) 1A04_PANTR (P13749) 1A23_HUMAN (P30447) 1A23_HUMAN (P30447) 1A24_HUMAN (P05534) 1A24_HUMAN (P05534) 1A25_HUMAN (P18462) 1A25_HUMAN (P18462) 1A26_HUMAN (P30450) 1A26_HUMAN (P30450) 1A29_HUMAN (P30512) 1A29_HUMAN (P30512) 1A31_HUMAN (P16189) 1A31_HUMAN (P16189) 1A32_HUMAN (P10314) 1A32_HUMAN (P10314) 1A33_HUMAN (P16190) 1A33_HUMAN (P16190) 1A34_HUMAN (P30453) 1A34_HUMAN (P30453) 1A43_HUMAN (P30456) 1A43_HUMAN (P30456) 1A66_HUMAN (P30457) 1A66_HUMAN (P30457) 1A68_HUMAN (P01891) 1A68_HUMAN (P01891) 1A74_HUMAN (P30459) 1A74_HUMAN (P30459) HLAH_HUMAN (P01893) HLAH_HUMAN (P01893)

L19	PPEPGPYAQPSVN	CRK_HUMAN (P46108)
L20	EHAQDTYLVLDKW	EPOR_HUMAN (P19235) EPOR_MOUSE (P14753)
L21	SAASFYETILDPS	EPOR_HUMAN (P19235) EPOR_PIG (Q9MYZ9)
L22	LTTNEEYLDLSQP	FGR2_HUMAN (P21802) FGR2_HUMAN (P21802)
L23	VTSTDEYLDLSAP	FGR3_HUMAN (P22607) FGR3_HUMAN (P22607)
L24	LIEDNEYTARQGA	FYN_CHICK (Q05876) FYN_HUMAN (P06241) FYN_MOUSE (P39688) FYN_XENLA (P13406) FYN_XIPHE (P27446) SRC1_XENLA (P13115) SRC2_XENLA (P13116) SRC_AVIS2 (P15054) SRC_AVISR (P00525) SRC_AVISS (P14084) SRC_AVIST (P14085) SRC_CHICK (P00523) SRC_HUMAN (P12931) SRC_MOUSE (P05480) SRC_RAT (Q9WUD9) SRC_RSVH1 (P25020) SRC_RSVP (P00526) SRC_RSISR (P00524) YES_AVISY (P00527) YES_CANFA (Q28923) YES_CHICK (P09324) YES_HUMAN (P07947) YES_MOUSE (Q04736) YES_XENLA (P10936) YES_XIPHE (P27447) YRK_CHICK (Q02977)
M1	FLRCINYVFFPSL	INR1_HUMAN (P17181)
M2	SSSIDEYFSEQPL	INR1_HUMAN (P17181)
M3	IHLEKKYVRRDSG	KFMS_FSVMD (P00545) KFMS_HUMAN (P07333) KFMS_MOUSE (P09581) KFMS_RAT (Q00495)
M4	IMNDSNYIVKGNA	KFMS_FELCA (P13369) KFMS_FSVMD (P00545) KFMS_HUMAN (P07333)
M5	GLNKQGYKCRQCN	KPCD_HUMAN (Q05655) KPCD_MOUSE (P28867) KPCD_RAT (P09215)
M6	VPNQPVYNQPVYN	PLS1_HUMAN (O15162)
M7	VYNQPVYNQPVGA	PLS1_HUMAN (O15162)
M8	DAEMTGYVVTRWY	MK13_HUMAN (O15264) MK13_PANTR (Q9N272) MK13_RAT (Q9WTY9)
M9	GVCAERYSQEVFE	SIVA_HUMAN (O15304)
M10	LMEKDSYPRFLKS	RGS1_HUMAN (Q08116) RGS1_HUMAN (Q08116)

		RGS1_MOUSE (Q9JL25) RGS1_MOUSE (Q9JL25) RGS1_BOVIN (O46471) RGS1_BOVIN (O46471) RGS1_HUMAN (O15492) RGS1_HUMAN (O15492) RGS1_MOUSE (P97428) RGS1_MOUSE (P97428) RGS1_RAT (P56700) RGS1_RAT (P56700)
M11	LTSNQEYLDLSMP	FGR1_HUMAN (P11362) FGR1_RAT (Q04589)
M12	FERASEYQLNDSA	GBT1_CANFA (Q28300) GBT1_HUMAN (P11488) GBT3_RAT (P29348)
M13	PTAGALYSGSEGD	SRF_HUMAN (P11831)
M14	SQQTNDYMQPEED	AAC1_HUMAN (P12814) AAC1_MOUSE (Q7TPR4) AAC1_RAT (Q9Z1P2)
M15	TSTEPQYQGENL	SRC_CHICK (P00523) SRC_HUMAN (P12931) SRC_MOUSE (P05480)
M16	EAPTTAYKKTPI	HS1_HUMAN (P14317) HS1_MOUSE (P49710)
M17	VEEEPVYEAPEP	HS1_HUMAN (P14317)
M18	EVHKSGLSSERL	EZRI_HUMAN (P15311)
M19	MLRLQDYEEKTKK	EZRI_HUMAN (P15311)
M20	RDINSLYDVSRMY	PIG2_HUMAN (P16885) PIG2_RAT (P24135)
M21	YDVSRMYVDPSEI	PIG2_HUMAN (P16885) PIG2_RAT (P24135)
M22	GTAEPDYGALYEG	PIG1_BOVIN (P08487) PIG1_HUMAN (P19174) PIG1_RAT (P10686)
M23	GRNPGFYVEANPM	PIG1_BOVIN (P08487) PIG1_HUMAN (P19174) PIG1_RAT (P10686)
M24	GEEDTEYMPSSR	CBL_HUMAN (P22681)
N1	ENEDDGYDVPKPP	CBL_HUMAN (P22681) CBL_MOUSE (P22682)
N2	SMKDEEYEQMVKE	IKBA_HUMAN (P25963) IKBA_PIG (Q08353)
N3	TGFLTEYVATRWY	ERKA_DROME (P40417) MK01_BOVIN (P46196) MK01_HUMAN (P28482) MK01_MOUSE (P27703) MK01_XENLA (P26696) MK03_HUMAN (P27361) MK03_MOUSE (Q63844) MK03_RAT (P21708) SUR1_CAEEL (P39745)
N4	HQLRIQYGTSGK	SN21_HUMAN (P28370)
N5	HFPQFSYSASSTA	KRAC_HUMAN (P31749)
N6	NEGVATYAAAVLF	ARM_DROME (P18824) ARM_MUSDO (Q02453)

		CTNB_HUMAN (P35222) CTNB_MOUSE (Q02248) CTNB_RAT (Q9WU82) CTNB_URECA (P35224) CTNB_XENLA (P26233)
N7	ADIDGQYAMTRAQ	CTNB_HUMAN (P35222) CTNB_MOUSE (Q02248) CTNB_RAT (Q9WU82) CTNB_XENLA (P26233)
N8	GPKGTGYIKTELI	STA1_HUMAN (P42224) STA1_HUMAN (P42224)
N9	AKAVDGYVKPQIK	ST5A_BOVIN (Q95115) ST5A_HUMAN (P42229) ST5A_MOUSE (P42230) ST5A_PIG (Q9TUZ1) ST5A_RAT (Q62771) ST5A_SHEEP (P42231) ST5B_BOVIN (Q9TUM3) ST5B_HUMAN (P51692) ST5B_PIG (Q9TUZ0)
N10	DFGMTRYVLDDEY	TXK_HUMAN (P42681)
N11	ETSKLIYDFIEDQ	WASP_HUMAN (P42768) WASP_MOUSE (P70315)
N12	PMDTSVYESPYSD	ZA70_HUMAN (P43403) ZA70_MOUSE (P43404)
N13	SVYESPYSDPEEL	ZA70_HUMAN (P43403) ZA70_MOUSE (P43404)
N14	SFMMPYVVTRY	MK08_HUMAN (P45983) MK08_MOUSE (Q91Y86) MK08_RAT (P49185) MK08_XENLA (Q8QHK8) MK10_HUMAN (P53779) MK10_MOUSE (Q61831) MK10_RAT (P49187)
N15	NFMMPYVVTRY	MK09_CHICK (P79996) MK09_HUMAN (P45984) MK09_MOUSE (Q9WTU6) MK09_RAT (P49186)
N16	GEEHVYSFVNKQ	PAXI_HUMAN (P49023)
N17	GALSPLYGVPEIN	PAXI_HUMAN (P49023)
N18	LSEETPYSYPTGN	PAXI_HUMAN (P49023)
N19	GEPNVSYSYCSRY	GSK3_SCHPO (Q10452) KG3A_HUMAN (P49840) KG3A_RAT (P18265) KG3B_HUMAN (P49841) KG3B_MOUSE (Q9WV60) KG3B_RAT (P18266) KG3H_DROME (P83101) KSGA_ARATH (Q39019) SGG_DROME (P18431)
N20	PPERIIYANPCKQ	DCOR_BOVIN (P27117) DCOR_CHICK (P27118) DCOR_HUMAN (P11926) DCOR_MUSPA (P27119) DCOR_RAT (P09057)

N21	LEGRHIYIYVPDP	PGDS_HUMAN (P16234)
N22	LLVLPIYANLPSD	DD16_HUMAN (O60231) DD16_PANTR (Q7YR39)
N23	TQKQPIYIVMELV	FES_FELCA (P14238) FES_FSVGGA (P00542) FES_FSVST (P00543) FES_HUMAN (P07332) FES_MOUSE (P16879) FPS_AVISP (P00541) FPS_FUJSV (P00530)
N24	MCVEDIYANIFII	F38A_HUMAN (Q92508)
O1	LASEEYINQLEA	ABR_HUMAN (Q12979)
O2	LQMAQIYINALSE	ATH1_HUMAN (Q92858) ATH1_MOUSE (P48985)
O3	GIIATIYIIPGDI	BAT1_HUMAN (P82251)
O4	SIFFIIYIIIIAF	CCAC_HUMAN (Q13936) CCAC_MOUSE (Q01815) CCAC_RABIT (P15381) CCAC_RAT (P22002) CCAD_CHICK (O73700) CCAS_CYPCA (P22316)
O5	SIFFIIYIIIVAF	CCAD_HUMAN (Q01668) CCAD_MESAU (Q99244) CCAD_RAT (P27732)
O6	LCQSGIYINVLDI	NPT4_HUMAN (O00476)
O7	KGQESEYGNITYP	PTN6_HUMAN (P29350) PTN6_MOUSE (P29351)
O8	PSDKFIYATVKQS	NMZ1_HUMAN (Q05586) NMZ1_MOUSE (P35438) NMZ1_RAT (P35439)
O9	SPGMKIYIDPFTY	EPB1_CHICK (Q07494) EPB1_HUMAN (P54762) EPB1_RAT (P09759) EPBA_XENLA (Q91571) EPBB_XENLA (Q91736)
O10	TPGMKIYIDPFTY	EPB2_CHICK (P28693) EPB2_COTJA (Q90344) EPB2_HUMAN (P29323) EPB2_MOUSE (P54763)
O11	KKSLTIYAQVQKP	SLAM_HUMAN (Q13291)
O12	LDGENIYIRHSNL	41_BOVIN (Q9N179) 41_HUMAN (P11171) 41_MOUSE (P48193)
O13	SIESDIYAEIPDE	FAK2_HUMAN (Q14289) FAK2_MOUSE (Q9QVP9) FAK2_RAT (P70600)
O14	PAVPSIYATLAIH	LIB1_HUMAN (Q8NHL6)
O15	CIVENEYGSINHT	FGR1_HUMAN (P11362) FGR1_MOUSE (P16092) FGR1_RAT (Q04589)
O16	RPEDTFYFDPEFT	K6A3_HUMAN (P51812) K6A3_MOUSE (P18654)
O17	TSSSSEYGSVSPD	M3K5_HUMAN (Q99683) M3K5_MOUSE (O35099)
O18	RESSSIYISKYLM	UGDH_BOVIN (P12378)

		UGDH_HUMAN (O60701) UGDH_MOUSE (O70475) UGDH_RAT (O70199)
O19	LEEILAYQPDILC	NOCT_HUMAN (Q9UK39) NOCT_MOUSE (O35710) NOCT_RAT (Q9ET55)
O20	DGFYYLYANICFR	TN11_HUMAN (O14788) TN11_MOUSE (O35235) TN11_RAT (Q9ESE2)
O21	LNQSSGYRYGTDP	FYN_HUMAN (P06241) FYN_MOUSE (P39688)
O22	DPDNEAYEMPSEE	SYUA_ATEGE (P61138) SYUA_ERYPA (P61139) SYUA_GORGO (P61140) SYUA_HUMAN (P37840) SYUA_LAGLA (P61141) SYUA_MACFA (P61142) SYUA_MACMU (P61143) SYUA_PANPA (P61144) SYUA_PANTR (P61145) SYUA_PONPA (P61146) SYUA_SAGLB (P61147)
O23	FRHDSGYEVHHQK	A4_BOVIN (Q28053) A4_CANFA (Q28280) A4_CAVPO (Q60495) A4_HUMAN (P05067) A4_MACFA (P53601) A4_PIG (P79307) A4_RABIT (Q28748) A4_SAISC (Q95241) A4_SHEEP (Q28757) A4_URSMA (Q29149)
O24	LMSEGLYKALEAA	TAB1_HUMAN (Q15750)
P1-P24	empty	